

ALCANCE DE ACREDITACIÓN**NORMA COGUANOR NTG ISO/IEC 17025:2017****“Laboratorio de Genética Forense de la Fundación de Antropología Forense de Guatemala, FAFG”****Laboratorio de Ensayo****Laboratorio Forense****Contacto:** Licda. Mishel Marie Stephenson Ojea.**Dirección:** 1a. Calle 1-53, zona 2, Guatemala, Guatemala.**Teléfonos:** (+502) 22324843.**Código de Acreditación:** OGA-LE-033-09.**Fecha Inicial de Acreditación:** 2010-11-25.**Fecha de Reevaluación:** 2018-09-19.**Fecha de Renovación de la Acreditación:** 2022-09-19.

No.	Categoría / Análisis	Item de Ensayo	Etapas	Método de Referencia	Unidades	Rango
1	Análisis de ADN de muestras de referencia y forenses para pruebas de identidad humana, pruebas de paternidad y uso de bases de datos.	<p>Muestras referenciales: Hisopados bucales fijados en tarjeta FTA; sangre fijada en tarjeta FTA</p> <p>Muestras esqueléticas: Fragmento de fémur, porción petrosa, diente, entre otros.</p> <p>Muestras forenses: Sangre, semen, cabello, colilla de cigarro, orina, hisopados bucales, entre otros.</p>	Extracción de ADN a partir de muestras con alto número de copias de ADN (referenciales) y bajo número de copias de ADN (esqueléticas y forenses)	<p>Kits Qiagen: muestra referencial, muestra forense.</p> <p>Manual tarjetas FTA: muestra referencial, muestra forense.</p> <p>Manual Chelex: muestra referencial, muestra forense.</p> <p>Manual QiaQuick: muestra referencial, muestra forense.</p> <p>Manual Amicon Ultra-15: muestra esquelética.</p>	NA	NA
		Muestras de ADN (extracto)	Cuantificación de ADN en muestras referenciales, forenses y esqueléticas	Kit Quantifiler Trio (Applied Biosystems).	ng/μL	0.005 - 50 ng/μL

Prohibida la reproducción parcial o total de este documento sin previa autorización de la autoridad competente de la OGA.

Todo documento impreso del sistema de calidad, tiene calidad de copia no controlada

No.	Categoría / Análisis	Item de Ensayo	Etapas	Método de Referencia	Unidades	Rango
		Muestras de ADN (extracto) Minifiler: 10 µL de ADN [0.05-0.075] ng/µL Globalfiler: 15µL de ADN [20-60] pg/µL Globalfiler express 1/3: 3 µL de ADN [0.08-0.63] pg/µl Yfiler plus: 25µL de ADN [6-50] pg/µl	Amplificación de fragmentos de ADN en muestras de alto y bajo número de copias	Kit Minifiler (Applied Biosystems): obtención de perfil genético de muestras esqueléticas y forenses degradadas. Kit GlobalFiler (Applied Biosystems): obtención de perfil genético de muestras esqueléticas, forenses y referenciales. Kit GlobalFiler Express (Applied Biosystems): obtención de perfil genético de muestras referenciales y forenses. Kit Yfiler plus (Applied Biosystems): obtención de perfil genético de muestras referenciales y forenses.	NA	NA
		Muestras de ADN	Electroforesis capilar	Manual del usuario de analizador genético ABI 3500.	NA	NA
		Electroferogramas	Determinación de perfiles genéticos	Manual del usuario del paquete de computadora GeneMapper ID-X.	NA	NA
		Perfil genético	Análisis estadístico: Comparación de perfiles genéticos para determinación de índice de verosimilitud.	1. The Evaluation of Forensic DNA Evidence Committee on DNA Forensic Science: An Update, National Research Council, 1996, http://www.nap.edu/catalog/5141.html . FAFG file name: "NRCII_1996.pdf". 2. Gjerston, D.W., et al., ISFG: Recommendations on Biostatistics in Paternity Testing. FSI: Genetics, 1 (2007) 223-231. 3. FAFG Population Allele Frequency Database, effective date 01/04/2009.	NA	NA

Prohibida la reproducción parcial o total de este documento sin previa autorización de la autoridad competente de la OGA.
 Todo documento impreso del sistema de calidad, tiene calidad de copia no controlada

No.	Categoría / Análisis	Item de Ensayo	Etapas	Método de Referencia	Unidades	Rango
				<p>4. See M-FISys references at: \\200.10.10.3\adn\ADN\ISO 17025 Documents\5.0 Technical Standards\5.4 Method Validation\Analytical Procedures\Active\Statistical Calculations\M-FISys References.</p> <p>5. Brenner, C.H., Symbolic Kinship Program [published erratum appears in Genetics 147 (September (1)) (1997) following 398], Genetics 145 (1997) 535-542.</p> <p>6. Brenner CH (2006) Some mathematical problems in the DNA identification of victims in the 2004 tsunami and similar mass fatalities, For Sci International 157: 172-180.</p> <p>7. Sawaguchi T, Brenner CH, Sawaguchi A (1998) Application of DNA-VIEW & PATER to a kinship paternity case, Rom J Leg Med 6.</p> <p>8. Brenner CH, Weir BS (2003) Issues and strategies in the identification of World Trade Center victims, Theor Pop Bio 63: 173-178.</p> <p>9. Drábek, J., Validation of software for calculating the likelihood ratio for parentage and kinship. Forensic Science International: Genetics, 3 (2009) 112-118. FAFG file name: "Validating Kinship Software - Drubek FSIG3(2009)"</p> <p>10. Excoffier, Laurent, Arlequin V3.1, An Integrated Software Package for Population Genetics, available at: http://cmpg.unibe.ch/software/arlequin3. FAFG</p>		

Prohibida la reproducción parcial o total de este documento sin previa autorización de la autoridad competente de la OGA.
 Todo documento impreso del sistema de calidad, tiene calidad de copia no controlada

No.	Categoría / Análisis	Item de Ensayo	Etapas	Método de Referencia	Unidades	Rango
				<p>file name: "Arlequin31.pdf".</p> <p>11. National Research Council, Committee on DNA Forensic Science: An Update, The Evaluation of Forensic DNA Evidence, (1996). [Also known and referenced as NRC II, NRC (1996) and NRC II (1996). As referenced in Butler (2005)1.</p> <p>12. Butler, John (2005) Forensic DNA Typing: Biology, Technology, and Genetics of STR Markers, 2nd ed. Burlington, Massachusetts: Elsevier Academic Press p. 270.</p> <p>13. Gjertson, D.W., et al., ISFG: Recommendations on Biostatistics in Paternity Testing. FSI: Genetics, 1 (2007) 223-231.</p> <p>14. Evett, I.W. and Weir, B.S. (1998) Interpreting DNA Evidence. Sunderland, Massachusetts: Sinauer Associates, Inc. p. 142 [As referenced in Butler, John (2005) Forensic DNA Typing: Biology, Technology, and Genetics of STR Markers, 2nd ed. Burlington, Massachusetts: Elsevier Academic Press p. 271.].</p> <p>15. Tully, G., et al. (2001) Forensic Science International, 124, 83-91 [As referenced in Butler, John (2005) Forensic DNA Typing: Biology, Technology, and Genetics of STR Markers, 2nd ed. Burlington, Massachusetts: Elsevier Academic Press p. 271.].</p> <p>16. Martinez-Espin, et al. (2006). Guatemala Meztizo Population data on 15 STR loci (Identifiler® kit). J</p>		

Prohibida la reproducción parcial o total de este documento sin previa autorización de la autoridad competente de la OGA.
 Todo documento impreso del sistema de calidad, tiene calidad de copia no controlada

No.	Categoría / Análisis	Item de Ensayo	Etapas	Método de Referencia	Unidades	Rango
				Forensic Sci. 51 (5):1216-1218. 17. Brenner, Charles. (2010). Fundamental problem of forensic mathematics – The evidential value of a rare haplotype. Forensic Science International: Genetics. 4. 281-291 18. Hill et al (2013) U.S. population data for 29 autosomal STR loci. Forensic Science International: Genetics. 7 (3). E82-e83.		

Actualizado: 2019-02-27.

-ÚLTIMA LÍNEA-**Más información:****Oficina Guatemalteca de Acreditación**

Sistema Nacional de Calidad

Ministerio de Economía

PBX (502) 2247-2600

www.oga.org.gtinfo-oga@mineco.gob.gtinfo@oga.org.gt